

GÉNÉTIQUE

Analyses génétiques chez des chats atteints de cardiomyopathie hypertrophique

La cardiomyopathie hypertrophique (CMH) est la maladie cardiaque la plus fréquente chez le chat. Une cause génétique a été identifiée chez certaines races telles que le Maine Coon et le Ragdoll, impliquant le gène de la protéine C cardiaque de liaison à la myosine. Dans les autres races on n'a jamais mis en évidence un caractère héréditaire de cette maladie. Dans cette étude on cherche à savoir si une mutation n'est pas responsable de la CMH chez le British Shorthair, le chat



Norvégien, le chat de Sibérie et le Sphynx. 14 chats : 3 British Shorthair, Norvégiens, Sibériens et Sphynx tous atteints de CMH, 2 Maine Coon (ne présentant pas la mutation connue) et 2 chats européens (groupe contrôle) font partie de l'étude. Les exons des gènes codant pour diverses protéines cardiaques sont séquencés (troponine I, troponine T, MYBPC3, MYL3, MYL2, alpha-tropomyosine, actine, MYH7). Les séquences sont comparées entre les chats affectés et les chats contrôles. Aucune mutation pouvant expliquer la CMH n'a pu être identifiée, pourtant plusieurs polymorphismes d'un nucléotide simple (SNP) ont été détectés. Des mutations au niveau de ces gènes cardiaques n'apparaissent pas être la seule cause de CMH pour ces races, de nouvelles recherches impliquant d'autres gènes cardiaques sont nécessaires. *C. B.*